

Programme zur Molekularen Stratifizierung



	Modellvorhaben	MASTER	MASTERsg
Methoden	Ganzgenomsequenzierung Transkriptomsequenzierung	Ganzgenomsequenzierung Transkriptomsequenzierung EPIC Array (Methylierung) Proteomics (Drug Testing)	TSO500 Panel DNA und RNA Panel 523 Gene + 56 definierte Fusionspartner
Einschluss	<ul style="list-style-type: none"> Fortgeschrittene onkologische Erkrankung mit absehbarer Indikation für experimentelle Therapie Medizinische Indikation für breite molekulare Diagnostik Keine adressierbaren Biomarker durch Standarddiagnostik identifiziert 	<ul style="list-style-type: none"> Fortgeschrittene onkologische Erkrankung mit absehbarer Indikation für experimentelle Therapie Seltene Tumorerkrankung Medizinische Indikation für breite molekulare Diagnostik Guter Allgemeinzustand (ECOG 0-2) 	<ul style="list-style-type: none"> Fortgeschrittene onkologische Erkrankung mit absehbarer Indikation für experimentelle Therapie Medizinische Indikation für breite molekulare Diagnostik
Material	Frischgewebe des aktuellen Tumors Blut (EDTA)	Frischgewebe des aktuellen Tumors Blut (EDTA) (vitales Gewebe für Drug Testing)	FFPE-Gewebe (auch Frischgewebe möglich) des aktuellen Tumors Blut (EDTA)
Anmeldung	Anfrage mittels Anmeldeformular (www.nct-dresden.de/patienten/master) an das Studiensekretariat (master-dresden@nct-dresden.de)		